

ÚJDONSÁG: MEGÉRKEZTEK AZ IBOVAL GENOMIKUS INDEXEK A LIMOUSIN FAJTÁBAN

A francia IngenomiX cég, a limousin fajtában, tovább fejlesztette 2013 évben elkezdett munkáját (INGX 2013) és 2017 év júniusától bevezette az INGX 2017 értékelési rendszerét.

A francia bázis populáció ez idő alatt **3500** egyedről **12800** egyedre növekedett, és ez a növekedés lehetővé tette, hogy pontosabb értékeket kapunk az egyes tulajdonságokra, illetve a hét már ismertetett tulajdonság mellett még a medence nyílás belterületére és a tőgy várható alakulására nyújt információt.

Jelen pillanatban az INGX 2017 EvaLim vizsgálat tehát 12 tulajdonságra ad megbízható választ:

- | | |
|--|------------|
| 1. Ellés lefolyása | FN |
| 2. Súlygyarapodás | CR |
| 3. Izmoltság | DM |
| 4. Ráma | DS |
| 5. Csont minősége | FOS |
| 6. Lányok ellési készsége | AV |
| 7. Lányok várható tejtermelése | AL |
| 8. Medence nyílás belső területe | OP |
| 9. A tőgyre vonatkozólag további négy tulajdonságra: | |
| • bimbó rövid –hosszú | |
| • bimbó vastag – vékony | |
| • tőgy előre vagy hátra lejt | |
| • tőgy magasan vagy mélyen illesztett. | |

A genomikai vizsgálatok lehetővé teszik, hogy DNS elemzéssel, valamint az így kapott genomikai profilnak a referencia-limousin populáció profiljával történő összehasonlítással a hazai limousin állomány egyedeinek genomikai potenciálját előre meghatározzuk. Az EvaLim vizsgálata, az állat genomjának az egészére eloszló több tízezer molekuláris markerre vonatkozó információt foglal magába, amely egy genomikai eredményt ad ki. Ez a 12 tulajdonságból álló mutató az állat genomikai potenciálját jelenti, és az állatra vagy felmenői vonalára vonatkozóan mért egyetlen más teljesítményt sem foglal magába.

Ezáltal lehetővé válik, hogy a legígéretesebb állatokat a lehető leghamarabb azonosítsuk, és hogy szelekciónkat az állomány célkitűzéseinek függvényében alakítsuk. Az eredményeket általában diagrammal ábrázoljuk a pontok feltüntetése mellett:

- Az 1-10-ig számozott, 8 tulajdonságra vonatkozó diagramm. Az egyes tulajdonságra vonatkozóan 10-es eredménnyel jelölt állatok a referencia állomány legjobb állatainak 10 %-ához hasonló profillal rendelkeznek. Ez a fent leírt 8 tulajdonságra vonatkozik.
- A tőgy morfológiáját bemutató 4 tulajdonságra vonatkozóan külön elkészített szalagdiagramm az, ahol az optimális érték a középpontban helyezkedik el.

A 10+ és a 10++ eredmények azoknak az állatoknak az azonosítását teszik lehetővé, amelyek a szóban forgó tulajdonság tekintetében az állomány legjobb 5 %-ába, illetve 1 %-ába tartoznak.

Mivel a referencia állomány kiválogatott állatokból áll, a genomikai eredmények átlagai nem felelnek meg az IBOVAL indexek átlagainak, de közelítenek hozzá.

A Lanaud-i központi tesztállomáson vizsgált bikák lehetnek az elsők, akiknél alkalmazni tudják a hivatalos genomikus indexeket. Ezek a bikák a GEMBAL projektbe tartoznak.

A GEMBAL index (GE BV) egy klasszikus IBOVAL index (EBV), amely a genomikus érték bevezetését erősíti.

Fiatal bikák GEMBAL indexe = IBOVAL származás + teljesítmény + genomikus érték.

A GEMBAL indexet csak azok a fiatal bikák kaphatják meg, ahol a szülők IFNAIS és ISEVR indexeinek ismételtősége (CD) 0,5 értéknél magasabb.

Az IFNAIS az ellés lefolyása, az ISEVR globális súlygyarapodási index választásig.

Napjainkig IBOVAL tenyésztéretet csak annak a bikának adtak ki, amelyiknek legalább 25 utódját minősítették. A fentiekből következik, hogy ezt a módszert csak a Franciaországban született és a Lanaud-i központi sajátteljesítmény állomáson minősített fiatal bikáknál lehet alkalmazni, de csak akkor, ha a bika felmenőinek is megbízható adatai állnak rendelkezésre.

Felhívjuk a tenyésztők figyelmét, hogy az INGX2013 és az INGX2017 adatai nem hasonlíthatók össze, mert megváltozott, pontosabb lett a populáció átlag értéke.

Ezért a hazai limousinok vizsgálati eredményét két táblázatban mutatjuk be:

INGX2013 Egyedszám: 43

MEGNEVEZÉS	FN	CR	DM	DS	FOS	AV	AL
HAZAI ÁTLAG	8	4	6	3	7	4	6
INGX2013	7	3	6	3	7	4	6

A vizsgált egyedek átlag értékei a fajta átlagát mutatják, kivétel az ellés lefolyása (FN) és a súlygyarapodás (CR) , mert ebben a két tulajdonságban a vizsgált hazai egyedek átlaga 1 ponttal magasabb.

INGX2017 Egyedszám: 82

MEGNEVEZÉS	FN	CR	DM	DS	FOS	AV	AL	OP
HAZAI ÁTLAG	8	4	6	3	7	4	5	5
INGX2017	7	2	5	3	8	4	5	5

A „fejlesztett” vizsgálati módszer alapján, a csont finomságon (FOS) kívül, még javult az izmoltságban (DM) elért pontok átlaga. Fontos, hogy a várható tejtermelésben (AL) a hazai állomány hozza a francia átlagot.

Ismételten büszkén mondhatjuk, hogy „Csak egy tincs szőr!” És kortól, tenyésztőtől és országtól függetlenül hasonlíthatják limousin tenyésztőink tenyészállataikat a fajta átlagával.

A 2018 év legjobb genomikus pontjait elérő bika:

Név: **H-32047 J.M.K. SAJÓ OFICE PP***

Fajta: Limousin

Tenyésztő: J.M.K.Kft. Hajdúszoboszló

Fülszám: HU30025 18581 2

Született: 2016.10.03

Apa: J.M.K. OFICE CAMEOS Pp*

Anyai nagyapa: JEP POLL SEXTANT P

ÜSTV eredmény:

205 napos súly: 275 kg

Súlygyarapodás: 1341 g/nap

400 napos súly: 584 kg

Súlygyarapodás: 1585 g/nap



Genomikai pont 1 / 10

INGX-2017	FN	CR	DM	DS	FOS	AV	AL	OP
SAJÓ OFICE	9	5	10+	1	9	4	2	3
Fajta átlag	7	2	5	3	8	4	5	5

AZ ELSŐ HAZAI TENYÉSZTÉSŰ KÖZTENYÉSZTÉSRE HASZNÁLT PP* BIKA

FN: ellés lef.CR: Súlygy.DM:izmoltság,DS:ráma,FOS:csont fin.AL:lányok ellése,AL: tej

OP: Medence nyílás területe

A 2019 év legjobb genomikus pontjait elérő bika:

Név: **H-34592 BAKONY HO-LI THOMAS Pp***

Fajta: Limousin

Tenyésztő: BAKONY HO-LI Kft. Zirc

Fülszám: HU30024 6913 4

Született: 2018.07.19

Apa: **GUNADARK PO ESPOIR Pp***

Anyai nagyapa: **REMIX RRE M**

KSTV eredmény:

205 napos súly: 289 kg Súlygyarapodás: 1401 g/nap

400 napos súly: 555 kg Súlygyarapodás: 1376 g/nap



Genomikai pont 1 / 10

INGX-2017	FN	CR	DM	DS	FOS	AVEL	ALAIT	OP
THOMAS Pp*	9	4	8	3	7	7	10+	4
Fajta átlag	7	2	5	3	8	4	5	5

Dr.Zarubay Árpád

Tauro-Trade Kft.